



RANCE LIMOUSIN  
SELECTION  
LANAUD - FRANCE

Délivré pour l'animal

**PARFAIT**

de race Limousine de sexe **mâle**

Inscrit en section principale de la classe Pur-Sang du livre généalogique de la race bovine Limousine

# Certificat généalogique

délivré conformément à la décision 2005/379/CE de la Commission pour les échanges intracommunautaires

par le Herd-Book de la race bovine Limousine, tenant le livre généalogique par délégation de France Limousin Sélection,  
organisation d'élevage officiellement reconnue au titre de la décision 84/247/CEE

HERD-BOOK  
LIMOUSIN  
LANAUD - FRANCE

Délivré pour l'animal

**PARFAIT**

de race Limousine de sexe **mâle**

Inscrit en section principale de la classe Pur-Sang du livre généalogique de la race bovine Limousine

Né(e) le : 29/10/2019

Naisseur

GAEC DES 2 VALLEES OSTER  
1 RUE DE LA FORET  
57690 MARANGE-ZONDANGE

Père	USTED	Grand-père paternel	Propriétaire	GAEC DES 2 VALLEES OSTER 1 RUE DE LA FORET 57690 MARANGE-ZONDANGE
HORN				
né le : 11/09/2012	n° d'inscription : FR1931733301			
Qualification :	Reproducteur Reconnué Veaux de Boucherie			
ECAILLE		Grand-mère paternelle		
née le : 29/08/2009	n° d'inscription : FR4810018381			
Qualification :	Reproductrice Recommandée			
OZEUS		Grand-père maternel		
né le : 10/10/1998	n° d'inscription : FR1519127770			
Qualification :	Reproducteur Recommandé Elevage			
ISADORA		Grand-mère maternelle		
née le : 27/11/2013	n° d'inscription : FR5706074122			
MALICE				
née le : 21/10/2016				
N° d'inscription :	FR5706232431			

Fait à Lanaud, le 12/01/2021

Le directeur technique du Herd-Book  
Sébastien STAMANNE

Sébastien STAMANNE  
de la Race Bovine Limousine

	animal	père	mère	gpp	gmp	gpm	gmm	Performances	Evaluation IBOVAL	Pointage adulte Synthèse UPRA	Contrôle individuel station	Testage descendance station AB	Résultats d'analyses génétiques
PN	ND	39	ND	48	38	46	43						
P120	178	193	186	230	182	193	144						
P210	292	330	285	361	270	322	258						
P120%	96	107	113	122	109	115	ND						
P210%	97	107	109	116	105	114	ND						
IFNAIS	ND	97 0 97	103 0 53	113 0 99	100 0 63	106 0 99	99 0 44						
SEVR	ND	120 0 91	113 0 49	125 0 98	106 0 59	104 0 99	109 0 45						
IVMAT	ND	124 0 60	111 0 46	125 0 88	111 0 55	106 0 99	104 0 50						
base ref		LIPF 20 21											
Morpho	ND	ND	ND	ND	ND	ND	ND						
ISU	ND	114	ND	111	ND	99							
IMOCR	ND	121 0 59	ND	130 0 72	ND	111 0 89	ND						
base ref		LISE 17		LISE 17		LCI 191							
IABV	ND	ND	ND	111 0 67	ND	ND	ND						
base ref				LIVB 15									
IAB	ND	ND	ND	ND	ND	ND	ND						
IQM	ND	ND	ND	ND	ND	ND	ND						
base ref													
T1-29	ND	ND	ND	ND	ND	NR	ND						
MH	+/-	+/-	ND	+/-	ND	+/-	ND						



# Guide de lecture du certificat généalogique

## How to read the pedigree certificate

Les index de valeur génétique édités sont des estimations de valeur génétique exprimées en écart à la base de référence (valeur 100). Les coefficients de détermination (CD) disponibles accompagnent ces index, et traduisent la précision de l'évaluation.

### Abréviations et sigles utilisés / Short terms

**PN** : poids de naissance exprimé en kg / birthweight expressed in kg.

**P120 & P210** : poids à âge type (PAT) à 120 et à 210 jours exprimés en kg (P210 = poids au sevrage) / weights at fixed age expressed in kg (120 & 210 days - P210 is weaning weight).

**P120% et P210%** : PAT exprimés en pourcentage des performances moyennes du troupeau pour la campagne de naissance de l'animal / 120w & ww expressed as percentage of average herd records during individuals campaign or birth.

### Indexation au sevrage IBOVAL / Evaluation on weaning records IBOVAL

**IFNAIS** : index facilité de naissance, prédicteur de l'aptitude à produire des veaux naissant facilement / calving ease index.

**ISEVR** : Index synthétique SEVRage, combinaison des effets directs au sevrage (IFNAIS, morphologie, croissance) / Overall weaning index, combination of direct effects at weaning (IFNAIS, morphology, growth).

**IVMAT** : Index de Valeur Maternelle, combinaison des effets directs et maternels évalués au sevrage / Overall maternal index, combination of direct and maternal effects estimated at weaning.

**Base de référence** : pour les index IFNAIS, ISEVR & IVMAT, LI.SF.XX : tous les veaux Limousins contrôlés en ferme de l'année XX-4 à l'année XX. La valeur moyenne de cette population pour chaque index est 100, l'écart-type d'index étant fixé par calcul à 8 points / reference base for IFNAIS, ISEVR & IVMAT : LI.SF.XX, gathers all calves recorded from the year XX-4 to XX. The average value of this group for each index is 100, standard deviation equals 8 pt.

### Morphologie adulte / Adult morphology

**Morpho** : note globale morphologique adulte, exprimée en écart à 100 (valeur moyenne des génisses pointées au cours des 5 dernières années) / combined adult morphological score, expressed as deviation to 100 (average value of all heifers scored the last 5 years).

### Synthèse IBOVAL - Morphologie adulte / IBOVAL-adult morphology combination

**ISU** : Index Synthétique de l'Unité française de sélection / Breeders' association synthesis index.

### Evaluation individuelle en station / on-station individual performances

**IMOGR** : Index Morphologie Croissance / overall morphology-growth potential index.

**IBAV** : Index Aptitudes Bouchères en Vif / overall beef abilities (live) index.

### Evaluation sur descendance / progeny testing

**LAB** : Index Aptitudes Bouchères (carcasse) / beef production index (progeny-testing on production of replacement heifers).

**IQM** : Index Qualités Maternelles / maternal qualities index (progeny-testing on production of replacement heifers).

### Analyses chromosomiques et génotypiques / genetic analyses

**T1-29** : statut vis-à-vis de la translocation robertsonienne 1/29 (NR : non porteur ; RO : porteur) / position for robertsonian translocation 1/29 (NR : non carrier ; RO : carrier).

**MH** : statut vis-à-vis des mutations causales de l'hypertrophie musculaire (mh/mh : porteur homozygote ; mh/+ : porteur hétérozygote ; +/+ : non porteur) / position regarding the deletions of myostatin gene responsible for muscular hypertrophy (mh/mh : homozygous carrier ; mh/+ : heterozygous carrier ; +/+ : non carrier)

4 000 taureaux X 100 000 vaches contrôlées

